

# gLeaves Version: v3.7.0 - Release Notes

Date : 22 janvier 2025

## Résumé :

Cette version apporte des améliorations centrées essentiellement sur le gestionnaire de filtres (types SNV, SV et Fusion); le paramétrage d'une échelle fixe par défaut des tracks logRation dans IGV; l'affichage du sexe inféré; la configuration et la rédaction de dictionnaires de langues pour une utilisation en français, en anglais et en allemand; l'implémentation de nouvelles files d'import pour améliorer la gestion de l'import des données de puces et des données de panels dans gLeaves; finalement, cette version corrige également plusieurs problèmes signalés par nos utilisateurs et améliore la stabilité et la fiabilité de l'application.

## Référence interne (IT):

La release intègre l'ensemble des [Tickets](#) :

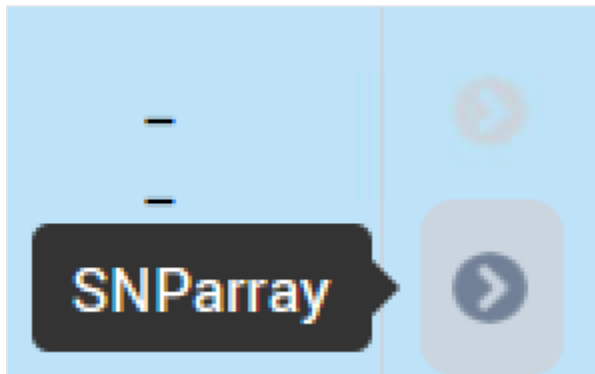
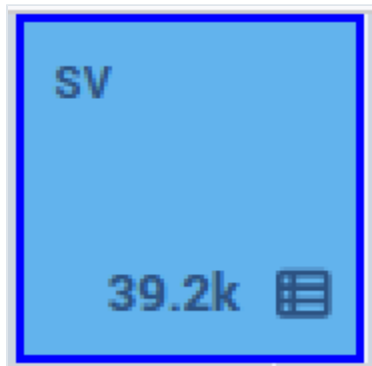
[https://sequoia-moabi.youtrack.cloud/releaseNotes?title=gLeaves v3.7.0&q=\(projet:Arboforce\) et \(Fix versions:v3.7.0 \)](https://sequoia-moabi.youtrack.cloud/releaseNotes?title=gLeaves v3.7.0&q=(projet:Arboforce) et (Fix versions:v3.7.0 ))

## Lecture IGV: évolution de l'échelle d'affichage de la piste résultats des log2 ratios de WisecondorX (~~ARBO-280~~)

valable pour :

- **types de pathologie:** Maladies Rares + Cancer dans un contexte familial
- **type de variants:** SV
- **condition:** analyse *WisecondorX* disponible

- **accès:** cliquer sur l'onglet SV puis sur le lien "SNPArray" (accessible sur une ligne d'un variant, et en dernière colonne)



Sous IGV, et spécifiquement ciblé sur la piste résultats des log2 ratios de WisecondorX l'échelle de l'axe des ordonnées est désormais une échelle fixe (ce mode d'affichage remplace la mise à l'échelle automatique qui était précédemment en place);

cliquer sur l'icone "roue" pour ouvrir le menu contextuel

**Paramétrage par défaut:**

- Échelle logarithmique (option log scale activée)
- Intervalle y=[Min-Max] paramétré (options set data range paramétrée [-1.5;+1.0] & autoscale désactivée)

**Paramétrage de l'affichage par l'utilisateur, et depuis le menu contextuel:**

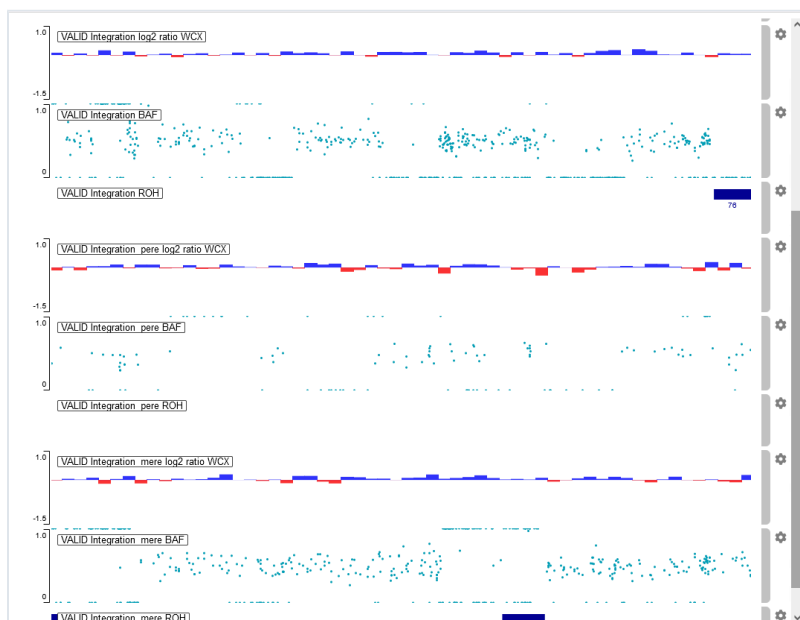
**option log scale :** cliquer sur le nom de cette option pour activer une échelle logarithmique ensuite, pour paramétrer les bornes y=[Min-Max] , 2 options au choix:

a) cliquer sur le nom de l'option **set data range** pour opérer au paramétrage du Min & du Max  
b) sinon, cliquer sur le nom de l'option **autoscale** pour activer un paramétrage (du Min & Max) auto-géré par IGV

Set track name  
Set track height  
Set track color  
Unset track color  
Set alt color  
Unset alt color  
Flip y-axis  
Set data range  
Log scale  
Autoscale  
Remove track

- l'échelle fixe, bornée sur l'intervalle  $y=[-1.5;+1.0]$  est l'échelle par défaut, utilisée à l'ouverture d'une nouvelle fenêtre WisecondorX
- cet intervalle par défaut peut être modifié, par exemple pour un intervalle  $y=[-2.5;+1.5]$
- l'option de l'échelle fixe peut être modifiée par une mise à l'échelle automatique

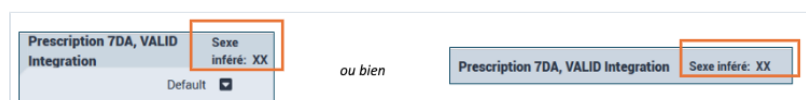
- Cela offre une meilleure comparaison des pistes cas index vs parents



## Affichage du sexe inféré (ARBO-111)

valable pour :

- **type de pathologie:** Maladies Rares + Cancer dans un contexte familial
- **condition:** analyse *ClinSV* exécutée
- **accès:** depuis le panneau de validation biologique d'un examen, l'information est affichée dans la bannière supérieure, immédiatement à côté du titre *ID Prescription*, *Nom Prénom du Cas Index*



L'information du sexe inféré est calculée par l'outil *ClinSV*.

**Pour chaque patient d'un examen**, l'information du sexe inféré *ClinSV* est comparée à l'information de sexe enregistrée dans la prescription *SPICE*; cette comparaison permet de s'assurer d'une interprétation correcte de l'héritabilité des gonosomes (chrX, chrY).

**En cas d'incohérence** détectée entre le sexe inféré *ClinSV* et le sexe déclaré *SPICE* (pour au moins un (1) patient de la prescription):

- un icône warning est ajouté immédiatement à côté de l'information du sexe inféré
- le survol de souris sur l'icône warning affiche le détail de(s) l'incohérence(s):



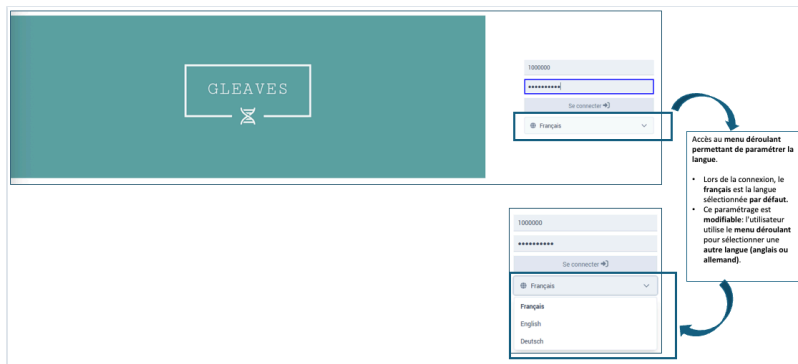
#### remarques:

Le sexe inféré n'est disponible que pour les prescriptions importées dans gLeaves après le 2 déc 2025

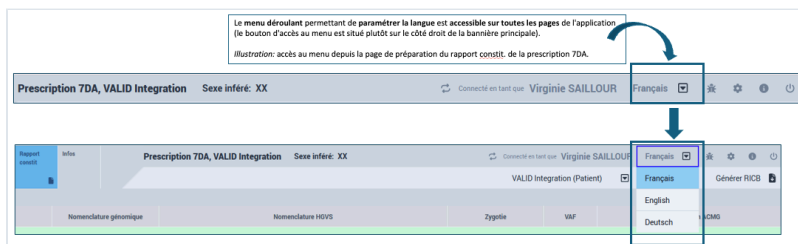
## GLEAVES disponible en français, anglais et allemand (~~ARBO-417, ARBO-74, ARBO-156~~)

### Traduction de GLEAVES en anglais et en allemand

- Des fichiers de configuration et des dictionnaires de traduction ont été rédigés et ajoutés au sein de l'application pour permettre un fonctionnement multilingue (actuellement : français, anglais et allemand).
- La langue sélectionnée par défaut est le français
- La langue par défaut est d'abord modifiable sur la page de connexion; l'utilisateur peut choisir entre le français, l'anglais et l'allemand.



- ensuite, la langue initialement choisie lors de la connexion est également modifiable depuis toutes les pages de l'application. ok vs: référencé , ok vs: référencé



- Le changement de langue demeure en vigueur ; la langue sélectionnée sera conservée lors de la prochaine connexion. Cependant, cette persistance est limitée à l'utilisation d'un navigateur, car le paramètre est enregistré dans les sauvegardes du navigateur.

### remarques:

Le travail de traduction de certains panneaux se poursuit

## Gestionnaire de filtres et étiquettes (disponible pour les 3 types: SNV, SV & Fusion)

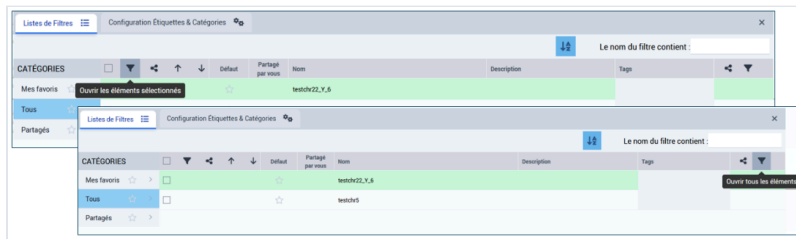
valable pour :

- **Type de pathologie:** Maladies Rares + Cancer dans un contexte familial + Cancer

### Correction de dysfonctionnements:

sous le gestionnaire de filtres du type SV (du panneau listes de SVs) (#ARBO-6)

- L'utilisation des boutons "*ouvrir les éléments sélectionnés*" et "*ouvrir tous les éléments*" permet d'exécuter plusieurs filtres simultanément



- L'activation de l'un ou l'autre de ces boutons (*ouvrir les éléments sélectionnés* ou *ouvrir tous les éléments*) ouvre autant d'onglets de résultats (liste de SNV, SV ou Fusion) que de filtres exécutés.

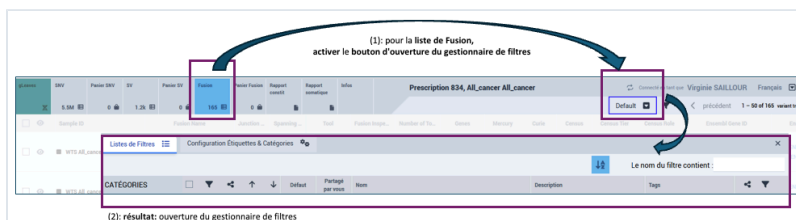
Ci-dessous, navigation entre les 3 onglets résultats *chr2*, *chr3*, *chr6*, résultats d'une exécution simultanée de plusieurs filtres

gLeaves	SNV	Panier SNV	SV	Panier SV	STR	Rapport constit	Infos
	423.1k 	1 	39.2k 	0 	0 		
chr2	chr3	chr6 					
<input type="checkbox"/> 	Sample ID		Position/hgvs		Gene Name		

## Nouvelles fonctionnalités:

## Gestionnaire de filtre pour le type Fusion: (ARBO-6)

- Ajout d'un questionnaire de filtres pour le type Fusion (**type de pathologie:** Cancer) identique au questionnaire de filtres SNV et SV.

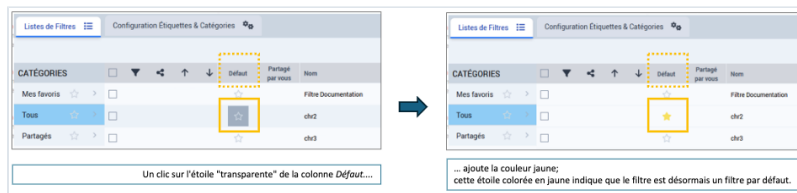


Indicateur de filtres par défaut (étoile jaune) des gestionnaires de filtres (SNV, SV et Fusion) (ARBO-7 )

*sous gLeaves, une étoile de couleur jaune est indicateur d'une information par défaut*

## l'indicateur de filtre par défaut (étoile jaune) peut être déclaré sur plusieurs filtres

- un filtre est déclaré par défaut par ajout d'une coloration jaune sur l'étoile située devant le nom du filtre
- la couleur jaune est ajoutée en opérant un clic souris sur l'étoile, et donc, permet de signaler (déclarer) le filtre comme étant un filtre par défaut
- à l'inverse, cliquer sur l'étoile jaune, annule la déclaration de filtre par défaut (l'étoile située devant le nom d'un filtre est à nouveau transparente)



cette déclaration de filtre par

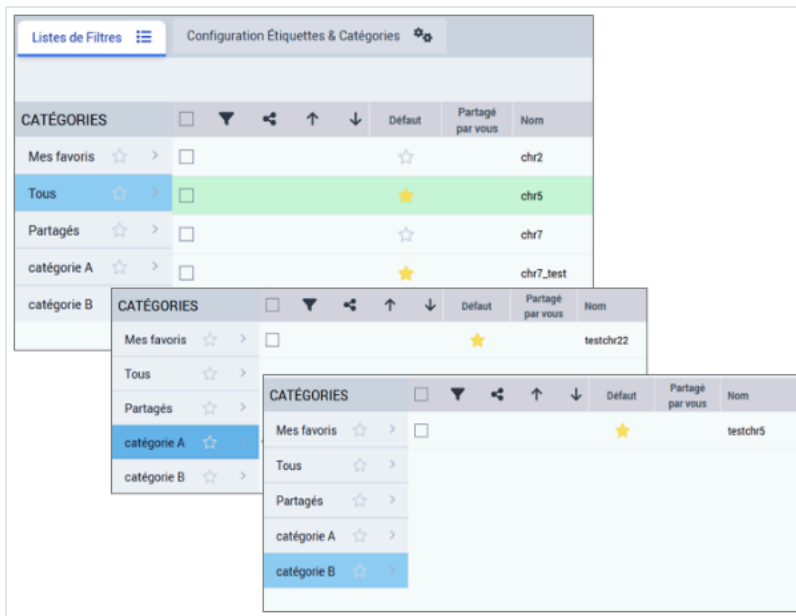
défaut peut être opérée:

- sur plusieurs filtres appartenant à une même catégorie, ou bien

Listes de Filtres		Configuration Étiquettes & Catégories							
CATÉGORIES		<input type="checkbox"/>					Defaut	Partagé par vous	Nom
Mes favoris	>	<input type="checkbox"/>							chr2
Tous	>	<input type="checkbox"/>							chr5
Partagés	>	<input type="checkbox"/>							chr7
		<input type="checkbox"/>							chr7_test
		<input type="checkbox"/>							demo4_5

*Illustration: plusieurs filtres déclarés par défaut depuis la catégorie Tous*

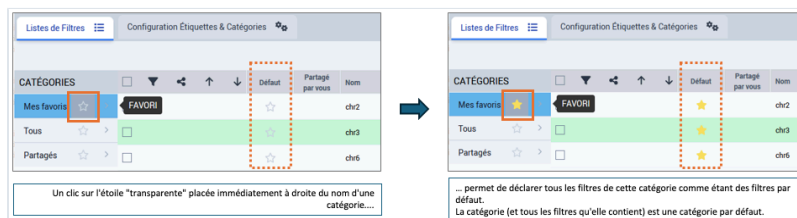
- sur plusieurs filtres appartenant à des catégories différentes



*Illustration: plusieurs filtres déclarés par défaut depuis les catégories Tous, Catégorie A et Catégorie B*

### L'indicateur de filtre par défaut (étoile jaune) peut être déclaré sur une catégorie

- Une catégorie (de filtres) est déclarée par défaut en colorant, en jaune, l'étoile située immédiatement après le nom de la catégorie.
- Cette action a pour effet de placer automatiquement l'indicateur jaune sur tous les filtres de la catégorie, ainsi en cascade, de déclarer les filtres par défaut, leurs étoiles passent du gris au jaune.



- Une (1) seule catégorie peut être déclarée comme étant la catégorie par défaut.
- La suppression de la catégorie par défaut affectée à une catégorie fait que, en cascade, tous les filtres de cette catégorie perdent leur sélection par défaut.
- La sélection d'une nouvelle catégorie par défaut remplace la catégorie précédemment déclarée par défaut. En cascade, les filtres de la catégorie précédente voient leurs étoiles passer du jaune au gris.



- Dans la catégorie par défaut, les filtres peuvent être désélectionnés puis réselectionnés individuellement; la catégorie ne perd pas son attribut par défaut.

L'exécution des filtres par défaut et l'ouverture des onglets de résultats fonctionnent comme suit.

Lorsque plusieurs (>1 filtre) sont déclarés par défaut:

- La sélection par défaut d'une catégorie a la priorité sur la sélection individuelle des filtres par défaut.
- Si **une catégorie par défaut est sélectionnée**, les filtres par défaut de cette catégorie s'appliquent automatiquement à l'ouverture d'un examen dans l'ordre de cette catégorie.
- Si **aucune catégorie** n'est sélectionnée\*\*, \*\* les filtres par défaut de la **catégorie "Tous"** s'appliquent automatiquement à l'ouverture d'un examen dans l'ordre de cette catégorie.
- Les listes de variants, résultats de l'ensemble de ces filtres, sont affichés sous forme d'onglets
- Les noms des onglets sont prenent le noms des filtres exécutés
- Selon la catégorie par défaut ou la catégorie "Tous", l'exécution des filtres par défaut s'effectue dans l'ordre de lecture, de haut en bas. Les onglets de résultats s'affichent dans le même ordre de gauche à droite.



Illustration:

Le gestionnaire de filtres associé aux variants de type SNV contient trois (3) filtres déclarés par défaut: chr2, chr3 et chr6. Lors de l'ouverture de l'examen 7DA, trois (3) onglets, également appelés chr2, chr3 et chr6, sont affichés sous le panneau de SNV. Naviguer d'un onglet à l'autre permet de lire la liste de variants (SNV) résultant du filtre de même nom.

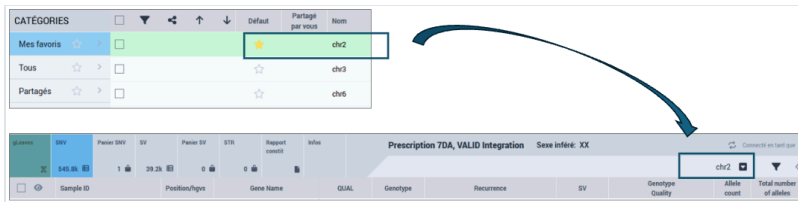
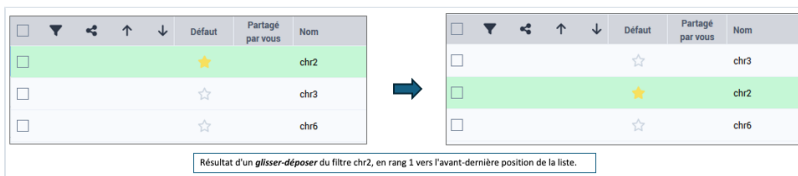


Illustration:

Le gestionnaire de filtres associé aux variants de type SNV contient 1 seul filtre par défaut: chr2. Il n'y a pas de catégorie par défaut sélectionnée. Lors de l'ouverture de l'examen 7DA, le sélecteur de nom du filtre affiche le nom du filtre qui est exécuté; la liste de variants (SNV) affichés est le résultat de l'exécution de ce filtre chr2.

## Méthode de tri (des filtres) plus flexible par utilisation d'un *glisser-déposer* (ARBO-8)

- Le rang d'un filtre peut être modifié grâce à une opération de *glisser-déposer* qui permet de repositionner ce filtre au rang souhaité (de la catégorie de filtres à laquelle il appartient)



- pour opérer un glisser-déposer d'un filtre:
  1. placer le curseur de la souris sur la ligne du filtre à déplacer (le curseur change d'apparence pour indiquer que l'élément est mobile),
  2. cliquer sur la ligne du filtre et maintenir le bouton de la souris enfoncé.
  3. tout en maintenant le clic, glisser le filtre vers la position souhaitée.
  4. relâcher le bouton de la souris à l'emplacement de destination pour déposer le filtre à sa nouvelle position.
- Cette nouvelle fonctionnalité complète l'option de tri déjà disponible de tri par *nom*



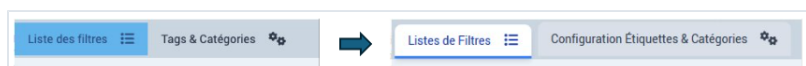
- Note: le tri par date de modification a été supprimé*

- Le tri se fait à l'intérieur d'une catégorie ; par conséquent, le tri des filtres dans la catégorie "Tous" n'affecte pas le tri de ces mêmes filtres dans d'autres catégories.

## Améliorations ergonomique

En général, amélioration de l'interface utilisateur du gestionnaire de filtres (disponibles pour les types SNV, SV et Fusion) (ARBO-121)

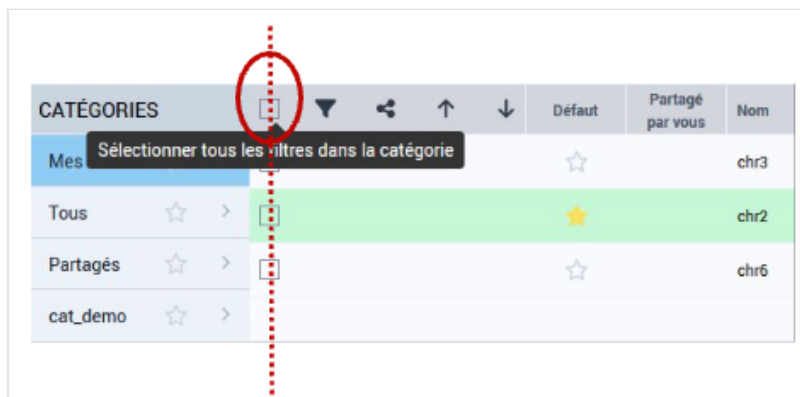
Amélioration des deux (2) onglets de navigation du gestionnaire de filtres



- Les 2 onglets d'un gestionnaire de filtres (de type SNV, SV ou Fusion) sont renommés :
  - L'onglet Liste des filtres est renommé en **Listes de Filtres**
  - L'onglet Tags & Catégories est renommé en **Configuration Étiquettes & Catégories**
- Le contraste des deux (2) onglets **Listes de Filtres & Configuration Étiquettes & Catégories** est amélioré pour mieux laisser paraître la structure des deux (2) panneaux de navigation

Le bouton **Sélectionner tous les filtres** EST amélioré (bouton disponible sous l'onglet *listes de filtres*)

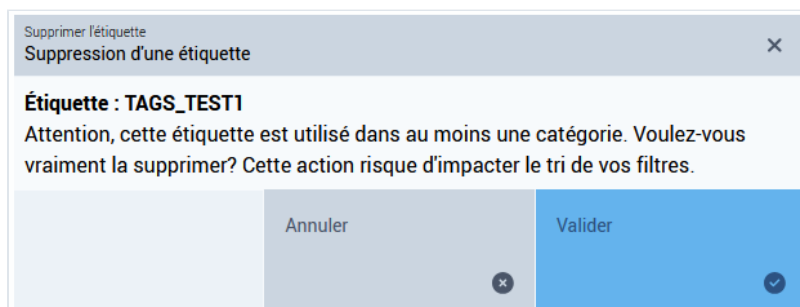
- Le bouton *Sélectionner tous les filtres* est une case à (dé)cocher :
  - cocher la case "sélectionner tous les filtres", coche l'ensemble des cases à cocher des filtres
  - décocher la case "(dé)sélectionner tous les filtres", décoche l'ensemble des cases à cocher des filtres



- la case à (dé)cocher "(dé)sélectionner tous les filtres" est alignée verticalement à l'ensemble des cases à cocher des filtres
- Ajout d'un survol sur la *case à (dé)cocher (dé)sélectionner tous les filtres*; le texte lu est le suivant: *(dé)sélectionner tous les filtres de la catégorie*

### La suppression d'une étiquette est mieux contrôlée(ARBO-466)

- Lors de la suppression d'une étiquette, un message de confirmation s'affiche afin d'empêcher toute suppression involontaire.



- La suppression des étiquettes s'effectue désormais en cascade sur les filtres et les catégories

### Couleur de l'étiquette FAVORI modifiée pour obtenir un meilleur contraste(ARBO-122)

- la couleur par défaut de l'étiquette FAVORI est désormais en **#f59e0b** (code couleur hexadécimal)
- échantillonnage de la nouvelle couleur:



- cette amélioration ne sera profitable que pour les nouveaux utilisateurs (les anciens ayant déjà leur couleur enregistrée dans **user\_profile**, et possiblement déjà modifié la couleur précédente, jaune vif, de pauvre contraste).

Tags disponibles

FAVORI

## refonte du panneau de suppression des filtres (ARBO-123)

- Dans le panneau *Liste de Filtres*: le survol de la poubelle indique "Supprimer"

Le nom du filtre contient :

Étiquettes

TAG-A.2 FAVORI

CAT-B FAVORI

FAVORI

CAT-B FAVORI

Supprimer

- La pop-up de déletion a été redimensionnée de façon raisonnable
- Le titre du panneau est devenu "Panneau de suppression d'un filtre"

Supprimer le filtre

Panneau de suppression d'un filtre

**Filter : chr2**

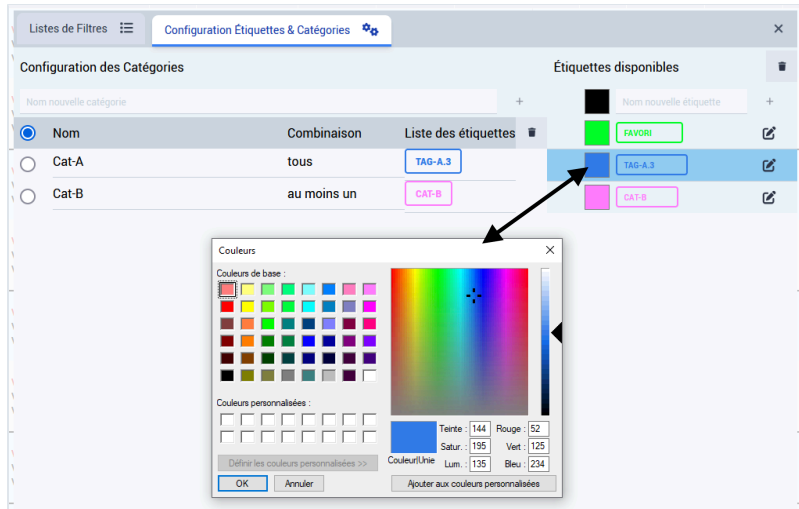
Confirmez-vous la suppression de ce filtre ?

Annuler Valider

- Sous le titre du pop-up, le nom du filtre apparaît en gras.
- La question est : « Confirmez-vous la suppression de ce filtre ? »
- Les boutons d'action sont "Annuler" en gris et "Valider" en bleu

## Refonte du panneau de configuration des catégories(~~ARBO-173~~)

- Francisation du panneau "tag" devient "étiquette"
- Le nom des étiquettes devient modifiable. Sauf pour "Favoris", le changement de nom sur cette étiquette n'a pas d'effet
- La couleur des étiquettes est modifiable



## Mise en place d'une "file" d'import dédiée aux panels et puces (~~ARBO-347~~)

Les importations d'exomes et de génomes utilisent les files d'exécution pendant plusieurs heures. Cela affecte les délais de prise en charge des données par les utilisateurs des panels et des puces. Afin de raccourcir les délais, nous avons créé une file d'exécution dédiée aux imports de panels et de puces.

## Autres bugs corrigés :

### Environnement de travail de la liste de SV (~~ARBO-85~~)

- La configuration de l'environnement de travail déclarée "par défaut" est désormais détectée par l'application.

## Accès aux récurrences (~~ARBO-214~~)

- Un problème technique, parfois rencontré lors de la lecture de la récurrence, et générant un message d'erreur du type *Bad Request* est résolu. (Livré dans la version 3.6.30)

## Import des données analytiques (~~ARBO-155~~)

- Dans le cas particulier d'un examen de génétique somatique (GS) de conformation complète et remplacé par un examen de conformation WTS seule, les données analytiques initiales (celles résultantes de l'analyse en conformation complète) sont dorénavant toutes supprimées avant l'import des données analytiques de l'examen en conformation WTS seule.

## Export xls des variants SVs (~~ARBO-255~~)

- Erreur critique empêchant l'export des variants SVs dans un fichier xls corrigée (spécifique à l'instance Moabi).

## Export des SNV vers genno (~~ARBO-364~~)

- Correction d'un bug d'import qui provoquait la perte des identifiants nécessaire à l'envoi de variants vers genno (spécifique à l'instance Moabi). Les export de variants vers genno à partir de gLeaves sont maintenant fonctionnels sous condition de configuration des flux de données nécessaires entre l'instance de genno utilisée et les applications moabi.

## Autres améliorations (améliorations techniques, version distribuée)

Procédé d'import (~~ARBO-277~~) (~~ARBO-75~~)

- Associé au procédé d'import d'un fichier de type SNV.annoté.vcf (vers ElasticSearch), la **verbosité du rapport de log** est améliorée (augmentée). Les remontées d'erreurs dans les scripts sont plus explicites.
- Amélioration de la journalisation (logging) pour capturer les enregistrements en échec ainsi que les motifs spécifiques de l'erreur. Ajout d'un contexte suffisant (identifiants, position dans le fichier) pour permettre aux utilisateurs de localiser et de corriger les entrées problématiques dans leurs fichiers sources.
- **Nouvelle nomenclature des erreurs d'analyse (Parsing)** : nous avons introduit un système complet de classification des erreurs pour simplifier le diagnostic des fichiers traités. Chaque anomalie détectée est désormais associée à un **code d'erreur unique**, garantissant une couverture complète des scénarios d'échec.

Les catégories d'erreurs incluent désormais :

- **Structure** : En-têtes mal formés ou corrompus.
- **Validation** : Types de données invalides et champs obligatoires manquants.
- **Cohérence** : Écarts dans le décompte des échantillons (sample counts).

**Bénéfice** : Une identification immédiate de la source du problème, ce qui permet une résolution plus rapide.

**Note** : Cet exercice n'est pas finalisé et fait partie de l'amélioration continue de nos outils destinés aux utilisateurs extérieurs à notre laboratoire.

[image.png](#)

[image.png](#)

[image1.png](#)

[image2.png](#)

[Capture d'écran 2026-01-15 à 10.26.24.png](#)

[Capture d'écran 2026-01-15 à 11.09.52.png](#)

[Capture d'écran 2026-01-15 à 11.24.47.png](#)

[Capture d'écran 2026-01-15 à 11.27.21.png](#)

[Capture d'écran 2026-01-15 à 11.54.13.png](#)

[Capture d'écran 2026-01-15 à 11.54.42.png](#)

[Capture d'écran 2026-01-15 à 11.54.13.png](#)

[Capture d'écran 2026-01-15 à 12.02.07.png](#)

[Capture d'écran 2026-01-15 à 13.11.49.png](#)



Capture d'écran 2026-01-15 à 13.29.38.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 08.12.28.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 08.14.02.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 09.06.56.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 14.41.03.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 14.54.01.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 14.56.48.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 22.39.21.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 22.39.21.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 23.01.04.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 23.18.41.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 23.41.31.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 23.43.35.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 23.51.04.png  
Capture d'écran 2026-01-16 à 23.58.06.png  
Capture d'écran 2026-01-17 à 00.03.04.png  
Capture d'écran 2026-01-17 à 00.22.50.png  
Capture d'écran 2026-01-17 à 00.28.47.png  
Capture d'écran 2026-01-17 à 00.41.55.png  
image3.png  
image.png  
image4.png  
image.png  
image5.png  
image.png  
Capture d'écran 2026-01-15 à 13.11.49.png  
img-ouvrir-tous-les-elements.png  
img-gestionnaire-de-filtres-fusion.png  
Capture d'écran 2026-01-21 à 15.16.37.png  
Capture d'écran 2026-01-21 à 15.41.17.png  
Capture d'écran 2026-01-21 à 15.50.03.png  
Capture d'écran 2026-01-21 à 15.54.59.png  
Capture d'écran 2026-01-22 à 09.49.54.png